

Manually updated contents page

Add pages in hierarchical manner here.

Note: Some of instructions are organized via GoogleDocs DAG folder, assessable via yours or dag.labmember gmail account:

<https://drive.google.com/?authuser=0#folders/0B8170PnHBunGYzA2OGNjMTetYTg5ZS00NzE4LTg1N2ItY2JlYTFhYzdiMmY3>

Lab organization

[Lab-Organization_GoogleDrive](#)

[Lab-Organization_Calendars](#)

[Lab-Organization_Zotero_and_GitHub](#)

BrainVoyager

[BrainVoyager_Resources](#)

[BrainVoyager_Shortcuts](#)

[BrainVoyager_Install_On_Linux](#)

[BrainVoyager_Probabilistic_Maps](#)

[BrainVoyager_Surfaces](#)

[BrainVoyager_Dongles](#)

[BrainVoyager_TransformVMP](#)

[BrainVoyager_HumanAlignment](#)

[BrainVoyager_Contrasts](#)

NeuroElf

[NeuroElf_resources](#) Help and installation, DAG-specific bug fixes!

[NeuroElf_pipeline](#)

[NeuroElf_based_functions](#)

[NeuroElf_BrainVoyager](#)

[NeuroElf_ToDo](#)

[NeuroElf_pipeline_v2](#)

JIP

<http://www.nmr.mgh.harvard.edu/~jbm/jip/>

[JIP_Install_On_Linux_Gnome](#)

Monkeypsych

[Data_parameters](#)

[Monkeypsych_installation](#)

[Monkeypsych_changelog](#)

[Monkeypsych_todo](#)

TDT

[TDT_resources](#)

[TDT_status](#)

[TDT_ToDo](#)

[TDT_FAQ](#)

MATLAB

[MATLAB_Resources](#)

[MATLAB_helpful_hacks](#)

[MATLAB_documentation_guidelines](#)

[MATLAB_FieldTrip](#)

[MATLAB_PATH](#)

Atlases

Anatomical atlases and other resources

[Atlases_resources](#)

<http://culhamlab.ssc.uwo.ca/fmri4newbies/primeroncorticalsulci.html>

References

[Zotero_instructions](#)

Decision-Making

[Decision-making_Resources](#)

Git source control

[Git_Resources](#)

[DAG_git_general_ideas](#)

Links

Miscellaneous science-related links you would like to share (with brief description)

[Links_fMRI](#)

[Links_ephys](#)

[Links_statistics](#)

[Links_fun](#)

Linux

[Linux_hacks](#)

Setups

[Setup1](#)

[Setup2](#)

[Setup3](#)

[UMG psychophysics setup](#)

[DPZ MRI setup](#)

ePhys pipeline

[1\) Pipeline overview](#)

[2\) Synchronization](#)

[3\) phys_gui](#)

[4\) Sorting](#)

[5\) Meta-info](#)

[6\) TDT Trial structure](#)

[7\) ToDo](#)

[8\) External links](#)

spike analysis pipeline

[1 Pipeline overview](#)

[2 Interactions with other pipelines](#)

[3 Settings](#)

[4 Defining conditions](#)

[Pipeline overview](#)

[Intermediate Output](#)

[Keys](#)

[Defining conditions](#)

[Space definition](#)

[Statistics and tuning table](#)

[Population PSTHs](#)

Setup installation guides

[eye tracker](#)

[parallel port](#)

[DAQ](#)

Analysis

Stat

[FisherExactTest](#)

[StatPower](#)

[2DConfidenceEllipses](#)

[MarkovChain](#)

[ChiSquaredTest](#)

[r-to-ZTransform](#)

[ANOVA](#)

[BayesFactor](#)

fMRI

[ExperimentalDesign](#)

[ActivationMaps](#)

[CollinearPredictors](#)

[SNR](#)

[AFNI](#)

Spectral

[SpectralResources](#)

Planner

[Planner_Installation](#)

[Planner_Usage](#)

3DReco

[3DRecoResources](#)

[angled_chamber_pipeline](#)

MRI

[PhysioMonitoring](#)

waveclus

["whattofindwhere" and "wheretofindwhat" variable explanation](#)

How to figure out which WC file contains what blocks?

To figure out which blocks were stored

From:

<http://dag.dokuwiki.dpz.lokal/> - **DAG wiki**

Permanent link:

<http://dag.dokuwiki.dpz.lokal/doku.php?id=contents&rev=1699266562>

Last update: **2023/11/06 10:29**

